

### Clasificación II

Naive Bayes y Support Vector Machines

Felipe Bravo

## Clasificación basada en Naïve Bayes

- Familia de modelos basados en Bayes.
- Veremos Clasificador de Naive Bayes.
- También existen las Redes Bayesianas.

#### Clasificación Basada en Naïve Bayes

- Modelo que busca modelar la relación probabilística entre atributos y clase.
- Modelo generativo, asume una distribución conjunta entre X e Y.
- Supuesto: atributos independientes dado la clase (naive assumption).

#### Clasificador Bayesiano

- Esquema probabilístico para resolver problemas de clasificación.
- Probabilidad condicional:

$$P(C \mid A) = \frac{P(A,C)}{P(A)}$$

$$P(A \mid C) = \frac{P(A,C)}{P(C)}$$

Teorema de Bayes:

$$P(C \mid A) = \frac{P(A \mid C)P(C)}{P(A)}$$

#### Ejemplo Teorema de Bayes

#### Dado:

- Un doctor sabe que la meningitis produce rigidez de cuello el 50% de las veces.
- La probabilidad previa de que cualquier paciente tenga meningitis es 1/50,000.
- La probabilidad previa de que cualquier paciente tenga rigidez en el cuello es de 1/20.
- ¿Si un paciente tiene el cuello rígido, cuál es la probabilidad de que tenga meningitis?

$$P(M \mid S) = \frac{P(S \mid M)P(M)}{P(S)} = \frac{0.5 \times 1/50000}{1/20} = 0.0002$$

#### Clasificador Naïve Bayes

- Considerar cada atributo como variable condicionalmente independiente de la clase (eso es "naive").
- Dado un record con atributos (A<sub>1</sub>, A<sub>2</sub>,...,A<sub>n</sub>).
  - La meta es predecir la clase C.
  - Específicamente queremos encontrar el C que maximice
     P(C| A<sub>1</sub>, A<sub>2</sub>,...,A<sub>n</sub>).
- ¿Podemos estimar P(C| A<sub>1</sub>, A<sub>2</sub>,...,A<sub>n</sub>) directamente de los datos?

#### Clasificador Naïve Bayes

- Aproximación
  - Computar la probabilidad posterior P(C | A<sub>1</sub>, A<sub>2</sub>, ..., A<sub>n</sub>) para todos los valores de C usando el Teorema de Bayes.

$$P(C \mid A_{1}A_{2}...A_{n}) = \frac{P(A_{1}A_{2}...A_{n} \mid C)P(C)}{P(A_{1}A_{2}...A_{n})}$$

- Elegir un valor de C que maximice
   P(C | A<sub>1</sub>, A<sub>2</sub>, ..., A<sub>n</sub>).
- Equivalente a elegir un valor de C que maximice P(A<sub>1</sub>, A<sub>2</sub>, ..., A<sub>n</sub>|C) P(C).
- Esto es porque el denominador P(A<sub>1</sub>A<sub>2</sub>...A<sub>n</sub>) es constante para todas las clases.

#### Clasificador Naïve Bayes

- Asume independencia entre los atributos A<sub>i</sub> cuando la clase está dada (independencia condicional):
  - $P(A_1, A_2, ..., A_n | C) = P(A_1 | C_j) P(A_2 | C_j)... P(A_n | C_j).$
  - Se puede estimar P(A<sub>i</sub> | C<sub>j</sub>) para todos los A<sub>i</sub> y C<sub>j</sub>.
  - Un punto nuevo A, se clasifica como C<sub>j</sub> si
     P(C<sub>j</sub>) Π P(A<sub>i</sub>| C<sub>j</sub>) es máxima (en comparación con otros valores de C).

# ¿Cómo estimar probabilidades a partir de los datos?

Tid	Refund	Marital Status	Taxable Income	Evade
1	Yes	Single	125K	No
2	No	Married	100K	No
3	No	Single	70K	No
4	Yes	Married	120K	No
5	No	Divorced	95K	Yes
6	No	Married	60K	No
7	Yes	Divorced	220K	No
8	No	Single	85K	Yes
9	No	Married	75K	No
10	No	Single	90K	Yes

• Clase:  $P(C_k) = \frac{count(C_k)}{N}$ 

• e.g., 
$$P(No) = 7/10$$
,  $P(Yes) = 3/10$ 

Para atributos discretos:

$$P(A_i = b|C_k) = \frac{count(A_{ik} = b)}{count(C_k)}$$

- donde count(A<sub>ik</sub>=b) es el número de instancias que tiene el valor b para el atributo A<sub>i</sub> y que pertenecen a la clase C<sub>k</sub>
- Ejemplos:
- P(Status = Married | No) = 4/7
   P(Refund= Yes | Yes) = 0

#### Laplace Smoothing

- P(C |  $A_1$ ,  $A_2$ , ...,  $A_n$ ) se puede ir a cero cuando  $|A_{ik}=b|=0$ , osea cuando para alguna clase  $C_k$  no hay ningún ejemplo con  $A_i=b$ .
- En ese caso Naive Bayes le asignaría probabilidad cero a la clase  $C_k$  a cualquier ejemplo con  $|A_{ik}=b|=0$ , ignorando el valor de los otros atributos (acuérdense que las probabilidades se multiplican).
- Eso no es bueno para la generalización del modelo.
- Laplace Smoothing: soluciona el problema sumándole 1 a todos los conteos para que ninguna probabilidad quede en cero:

$$P(A_i = b|C_k) = \frac{count(A_{ik} = b) + 1}{count(C_K) + values(A_i)}$$

- Donde values(A<sub>i</sub>) es la cantidad de categorías del atributo A<sub>i</sub>.
- Con Laplace smoothing P(Status = Married|No) = (4+1)/(7+3)

#### Atributos Numéricos

- ¿Cómo calculamos P(A<sub>ik</sub>=b|C<sub>k</sub>) cuando el atributo A<sub>i</sub> es numérico (ej: Taxable income) ?
- Una opción es discretizar el atributo y proceder de la forma anterior.
- Otra solución es asumir que el atributo sigue una distribución Gaussiana y estimar los parámetros de la función de densidad:

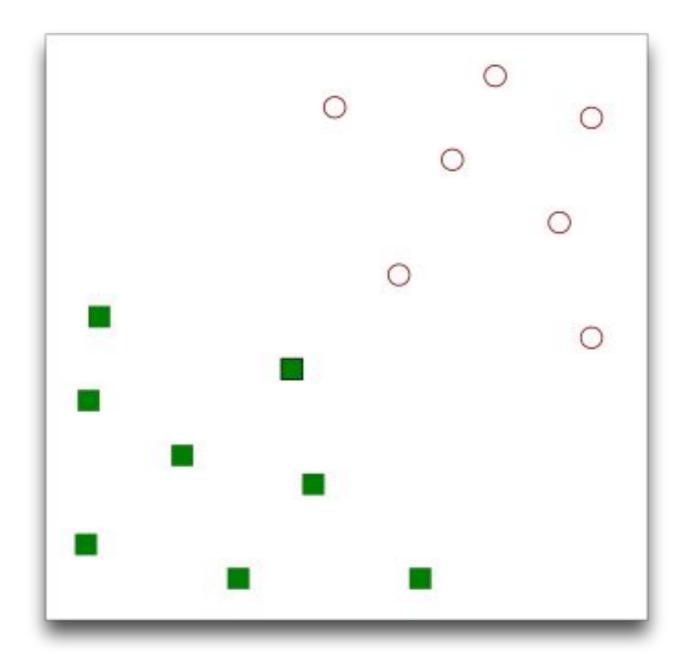
$$P(A_i = b|C_k) = \frac{1}{\sqrt{2\pi\sigma_{ik}}} \exp^{-\frac{(b-\mu_{ik})^2}{2\sigma_{ik}^2}}$$

- Aquí  $\mu_{ik}$  y  $\sigma_{ik}$  se estiman como la media muestral y la desviación estándar de los ejemplos del atributo  $A_i$  cuando la clase es  $C_k$
- Sea  $A_i$  = Taxable income y  $C_k$ =No,  $\mu_{ik}$ = mean(125,100,70,120,60,220,75) =110 y  $\sigma_{ik}$ =sd(125,100,70,120,60,220,75)=54.5

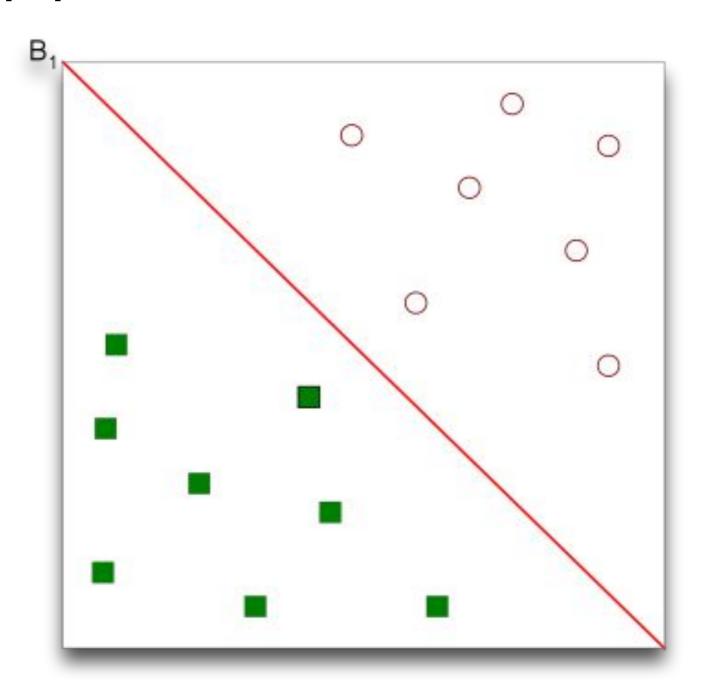
P(Taxable Income= 130 | No)= dnorm(x=130, mean=110, sd=54.5) = 0.006843379

#### Naïve Bayes (Resumen)

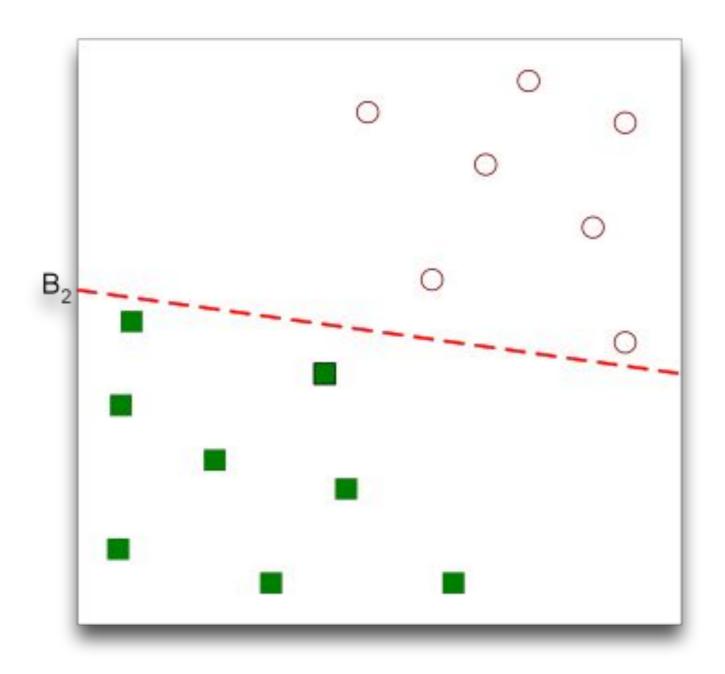
- Es robusto ante puntos de ruido aislados.
- Maneja valores faltantes ignorando la instancia durante los cálculos de estimación de probabilidades.
- Robusto a atributos irrelevantes (afectan de igual manera a todas las clases).
- El supuesto de independencia entre atributos puede no ser cierto en todos los casos.
- Las redes Bayesianas o los modelos gráficos dirigidos permiten hacer modelos probabilísticos con supuestos de independencia menos restrictivos.



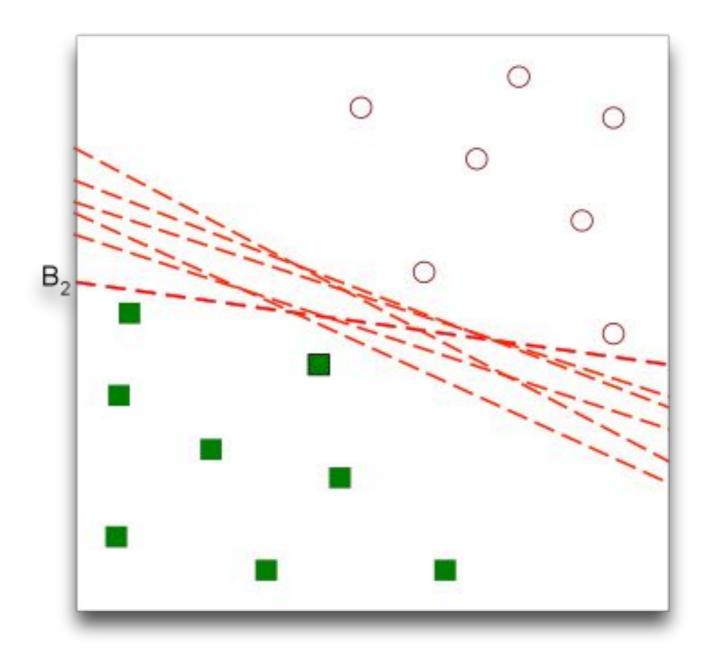
 Encontrar un hiperplano lineal (decision boundary) que separe los ejemplos positivos de los negativos.



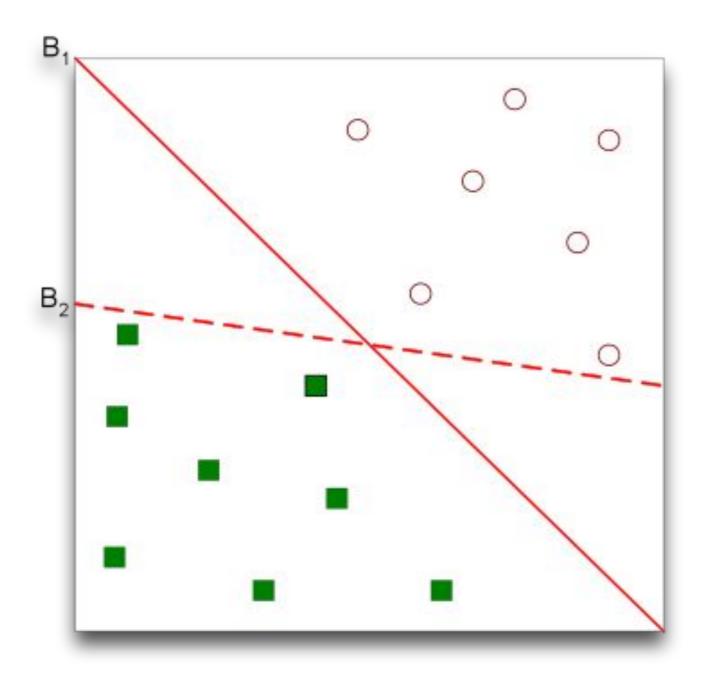
• Una posible solución



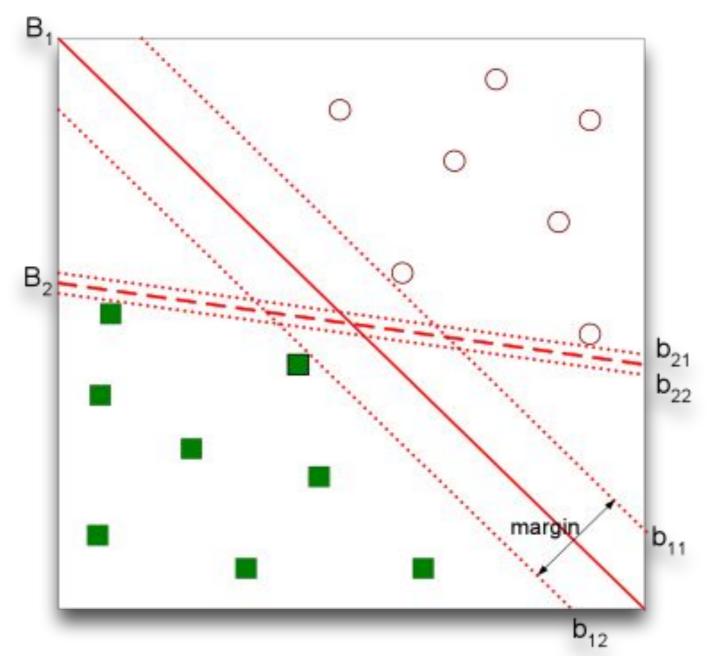
• Otra solución posible



• ¡Infinitas soluciones!



- ¿Cuál es mejor? ¿B1 o B2?
- ¿Cómo definimos qué es mejor?



- Encontrar un hiperplano que maximice el margen de entrenamiento (menores errores de generalización) => B1 es mejor que B2
- Entre más ancho el margen, mayor el poder de generalización.

- Un SVM lineal es un clasificador que busca un hiperplano con el máximo margen.
- Sea un problema de clasificación binaria con N ejemplos, cada ejemplo se representa como la tupa  $\mathbf{x_i,y_i}$  (i=1,2,...,N), donde  $\mathbf{x_i}$  es un vector de **d** dimensiones  $(\mathbf{x_{i1},x_{i2},...,x_{id}})^T$  e  $\mathbf{y_i} \in \{-1, 1\}$  (ejemplos negativos y positivos).
- El límite de decisión de un clasificador lineal se escribe de la siguiente manera:

$$\mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b = 0,$$

- Donde w y b son parámetros del modelo.
- En las siguientes slides vamos a ver cómo formular el margen en función de los parámetros y luego formularemos un problema de optimización que permita encontrar el hiperplano de máximo margen.

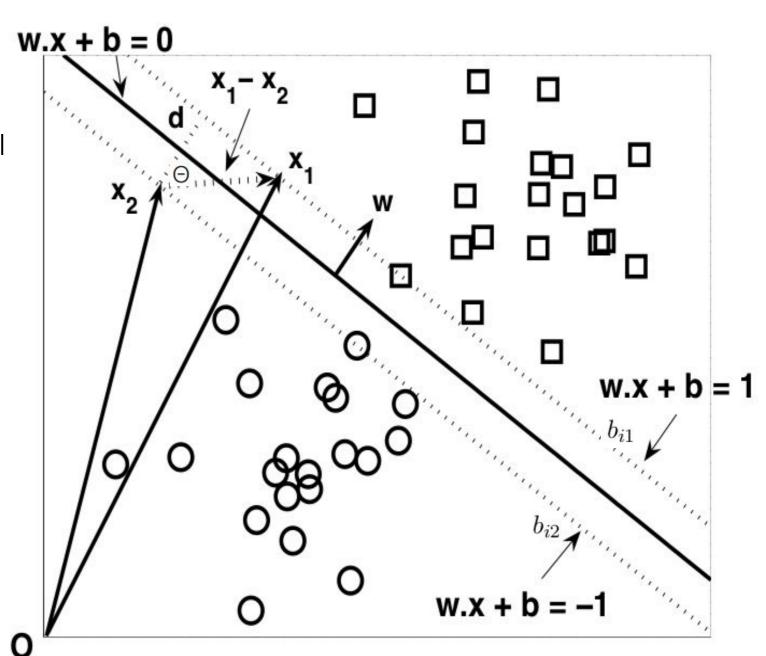
- El hiperplano w·x+b=0 separa los ejemplos positivos (cuadrados) de los negativos (círculos)
- Cualquier ejemplo que se encuentre en el límite de decisión debe satisfacer la ecuación del hiperplano.
- Por ejemplo, sean x<sub>a</sub> y x<sub>b</sub> dos puntos localizados en el límite de decisión:

$$\mathbf{w} \cdot \mathbf{x}_a + b = 0,$$
$$\mathbf{w} \cdot \mathbf{x}_b + b = 0.$$

 Si restamos las dos ecuaciones obtenemos:

$$\mathbf{w} \cdot (\mathbf{x}_b - \mathbf{x}_a) = 0,$$

 Cómo x<sub>b</sub>-x<sub>a</sub> es paralelo al límite de decisión, entonces w es perpendicular al hiperplano (el producto punto de dos vectores ortogonales es cero).



 Para cualquier cuadrado x<sub>s</sub> localizado sobre el límite de decisión, se cumple que:

$$\mathbf{w} \cdot \mathbf{x}_s + b = k,$$

donde k > 0.

 De manera análoga, para cualquier círculo x<sub>c</sub> localizado bajo el límite de decisión, se cumple que:

$$\mathbf{w} \cdot \mathbf{x}_c + b = k',$$

done k'<0.

 Si etiquetamos todos los cuadrados como la clase positiva +1 y todos los círculos como la clase negativa -1, podemos predecir la etiqueta y para cualquier ejemplo de test z de la siguiente manera:

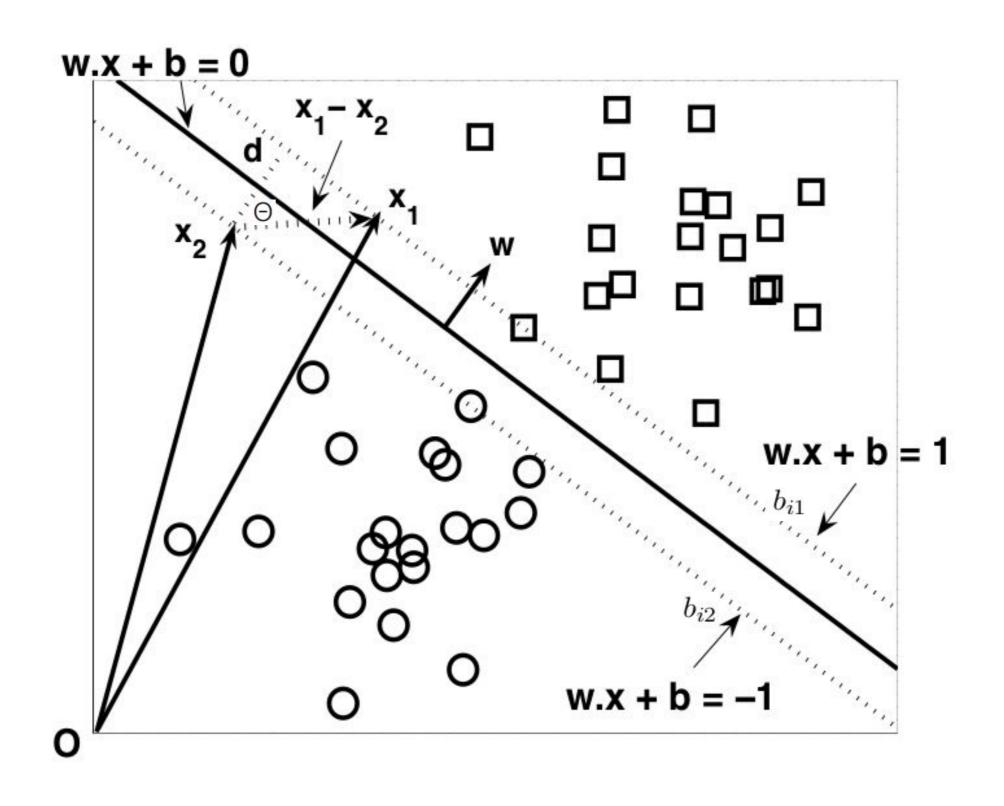
$$y = \begin{cases} 1, & \text{if } \mathbf{w} \cdot \mathbf{z} + b > 0; \\ -1, & \text{if } \mathbf{w} \cdot \mathbf{z} + b < 0. \end{cases}$$

- Consideremos el cuadrado y el círculo que se encuentran más cercanos al límite de decisión como los puntos x<sub>1</sub> y x<sub>2</sub>.
- El cuadrado debe satisfacer w·x<sub>1</sub>+b=k (para algún k positivo) y el círculo debe satisfacer w·x<sub>2</sub>+b=-k (para algún k negativo).
- Sobre x<sub>1</sub> pasa un hiperplano paralelo al límite de decisión llamado b<sub>i1</sub> y sobre x<sub>2</sub> pasa otro hiperplano paralelo al límite de decisión llamado b<sub>i2</sub>.
- Podemos re-escalar los parámetros w y b del límite de decisión de tal manera que los hiperplanos paralelos b<sub>i1</sub> y b<sub>i2</sub> puedan expresarse de la siguiente manera:

$$b_{i1}: \mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b = 1,$$

$$b_{i2}: \mathbf{w} \cdot \mathbf{x} + b = -1.$$

 El margen del límite de decisión se calcula como la distancia entre estos dos hiperplanos.



- Para calcular el margen calculamos la distancia del círculo x<sub>1</sub> y el cuadrado x<sub>2</sub>.
- Esto se hace sustituyendo x<sub>1</sub> y x<sub>2</sub> en las ecuaciones de b<sub>i1</sub> y b<sub>i2</sub> respectivamente.
- Lo que nos da: 1)  $w \cdot x_1 + b = 1$  y 2)  $w \cdot x_2 + b = -1$ .
- Si sustraemos la segunda ecuación de la primera obtenemos w·(x<sub>1</sub>-x<sub>2</sub>)=2 (el producto punto es distributivo).

- El producto punto de dos vectores (a·b) se puede representar como ||a||\*||b||\*cos(Θ).
- Tenemos entonces que  $||w||^*||x_1-x_2||^*\cos(\Theta)=2$
- Si miramos la figura anterior podemos ver que  $||x_1-x_2||^*\cos(\Theta) = d$ .
- Entonces

$$\|\mathbf{w}\| \times d = 2$$
  
 
$$\therefore d = \frac{2}{\|\mathbf{w}\|}.$$

¡ Encontramos una expresión del margen que depende de w!

- La fase de entrenamiento de una SVM lineal implica la estimación de los parámetros w y b del límite de decisión a partir de los datos de entrenamiento.
- Los parámetros deben elegirse de manera que se cumplan las dos siguientes condiciones :

$$\mathbf{w} \cdot \mathbf{x_i} + b \ge 1 \text{ if } y_i = 1,$$
  
 $\mathbf{w} \cdot \mathbf{x_i} + b \le -1 \text{ if } y_i = -1.$ 

- Estas condiciones imponen el requisito de que todas las instancias de entrenamiento de la clase y = 1 (los cuadrados) deben estar situadas en o sobre el hiperplano  $w \cdot x + b = 1$ .
- Mientras que las instancias de la clase y = -1 (los círculos) deben estar situadas en o debajo del hiperplano  $w \cdot x + b = -1$ .

 Ambas desigualdades pueden resumirse en una forma más compacta de la siguiente manera:

$$y_i(\mathbf{w} \cdot \mathbf{x_i} + b) \ge 1, \quad i = 1, 2, \dots, N.$$

- La SVM impone el requisito adicional de que el margen del límite de decisión sea maximal.
- Maximizar el margen equivale a minimizar la siguiente función objetivo:

$$f(\mathbf{w}) = \frac{\|\mathbf{w}\|^2}{2}.$$

$$\max_{w} \frac{2}{||w||} \Leftrightarrow \min_{w} \frac{||w||^2}{2}$$

 La tarea de aprendizaje en SVM puede formalizarse como el siguiente problema de optimización con restricciones:

$$\min_{\mathbf{w}} \frac{\|\mathbf{w}\|^2}{2}$$
subject to 
$$y_i(\mathbf{w} \cdot \mathbf{x_i} + b) \ge 1, \quad i = 1, 2, \dots, N.$$

- Dado que la función objetivo es cuadrática y las restricciones son lineales para los parámetros w y b, esto se conoce como un problema de optimización convexa.
- Este problema puede resolverse mediante el método de multiplicadores de Lagrange.

- Debemos reescribir la función objetivo de una forma que tenga en cuenta las restricciones impuestas a sus soluciones.
- La nueva función objetivo se conoce como el Lagrangiano para el problema de optimización:

$$L_P = \frac{1}{2} \|\mathbf{w}\|^2 - \sum_{i=1}^N \lambda_i \left( y_i (\mathbf{w} \cdot \mathbf{x_i} + b) - 1 \right), \quad (1)$$

donde los parámetros λ se llaman los multiplicadores de Lagrange.

 El primer término en el Lagrangiano es el mismo que la función objetivo original, mientras que el segundo término captura las restricciones de desigualdad.

- Si sólo minimizamos el primer término encontraríamos como óptimo w=0, un vector nulo.
- Esta solución viola las restricciones del problema porque no existe solución válida para b en ese caso.
- Las soluciones para w y b son inviables si violan las restricciones de desigualdad; es decir, si  $y_i(w \cdot x_i + b) 1 < 0$ .
- El Lagrangiano incorpora esta restricción sustrayendo el término de las restricciones de su función objetivo original.
- Asumiendo que  $\lambda_i \ge 0$ , cualquier solución inviable sólo puede aumentar el valor de la Lagrangiano.

 Para minimizar el Lagrangiano, debemos calcular la derivada de L<sub>P</sub> con respecto a w y b e igualarlas a cero:

$$\frac{\partial L_p}{\partial \mathbf{w}} = 0 \Longrightarrow \mathbf{w} = \sum_{i=1}^N \lambda_i y_i \mathbf{x}_i, \qquad (2)$$

$$\frac{\partial L_p}{\partial b} = 0 \Longrightarrow \sum_{i=1}^{N} \lambda_i y_i = 0. \tag{3}$$

- $\bullet$  Como w es un vector, realmente hacemos  $\frac{\partial L_p}{\partial w_i}$  para todo i.
- Usamos una notación vectorial para simplificar los cálculos.
- Debido a que los multiplicadores de Lagrange son desconocidos, aún no podemos encontrar los valores para w y b.

 Si el problema de optimización tuviese restricciones de igualdad en vez de desigualdad, podríamos usar las N restricciones para encontrar soluciones válidas de w,b, y λ, haciendo lo siguiente:

$$\frac{\partial L_p}{\partial w} = 0$$
  $\frac{\partial L_p}{\partial b} = 0$   $\frac{\partial L_p}{\partial \lambda_i} = 0$   $\forall i$ 

 Una forma de manejar problemas con restricciones de desigualdad es transformar estas restricciones en restricciones de igualdad y luego verificar que las soluciones encontradas satisfagan las condiciones de

Karush-Kuhn-Tucker (KKT).

$$\lambda_i \ge 0, \tag{4}$$

$$\lambda_i [y_i(\mathbf{w} \cdot \mathbf{x}_i + b) - 1] = 0. \quad (5)$$

- La primera restricción nos exige que los multiplicadores de Lagrange sean no no negativos.
- La segunda restricción se conoce como "holgura complementaria" y es crucial para encontrar los vectores de soporte.

- A primera vista, puede parecer que existen tantos multiplicadores de Lagrange como instancias de entrenamiento.
- Sin embargo, muchos de los multiplicadores de Lagrange quedan en cero después de aplicar la restricción de la ecuación (5):  $\lambda_i [y_i(\mathbf{w} \cdot \mathbf{x}_i + b) 1] = 0$ .
- La restricción (5) establece que el multiplicador de Lagrange  $\lambda_i$  debe ser cero a menos que la instancia de entrenamiento  $x_i$  satisfaga la ecuación  $y_i(w \cdot x_i + b) = 1$ .
- Un ejemplo de entrenamiento con λ<sub>i</sub> > 0, se encuentra dentro de los hiperplanos b<sub>i1</sub> o b<sub>i2</sub> y se conoce como vector de soporte.
- Los ejemplos de entrenamiento que no residen en  $\mathbf{b_{i1}}$  o  $\mathbf{b_{i2}}$  tienen  $\lambda_i = 0$ .
- Las ecuaciones (2) y (3) también indican que los parámetros w y b, que definen el límite de decisión, dependen sólo de los **vectores de soporte**.

- Resolver este problema de optimización es aún computacionalmente caro porque involucra un gran número de parámetros: w, b, y λ;.
- El problema puede simplificarse transformando el Lagrangiano en una función que depende solamente de los multiplicadores de Lagrange conocida como el problema dual.
- El dual de un problema de optimización es una visión alternativa del problema primal que para problemas convexos (como este) tienen resultados equivalentes.
- Para encontrar el dual, sustituimos las ecuaciones (2) y (3) en la ecuación (1):

$$\mathbf{w} = \sum_{i=1}^{N} \lambda_i y_i \mathbf{x}_i, \qquad \sum_{i=1}^{N} \lambda_i y_i = 0. \qquad \Longrightarrow \qquad L_P = \frac{1}{2} \|\mathbf{w}\|^2 - \sum_{i=1}^{N} \lambda_i \left( y_i (\mathbf{w} \cdot \mathbf{x}_i + b) - 1 \right)$$

Esto nos llevará a la siguiente formulación dual del problema de optimización:

$$L_D = \sum_{i=1}^{N} \lambda_i - \frac{1}{2} \sum_{i,j} \lambda_i \lambda_j y_i y_j \mathbf{x_i} \cdot \mathbf{x_j}.$$
 (6)

• Resolución: 
$$L_p = \frac{1}{2} w^T w - \sum_{i=i}^N \lambda_i \left( y_i (w \cdot x_i + b) - 1 \right)$$

$$||\mathbf{w}||^2 = \mathbf{w}^T \cdot \mathbf{w}$$
, luego reemplazando (2)  $\mathbf{w} = \sum_{i=1}^N \lambda_i y_i \mathbf{x}_i$ ,

$$= \frac{1}{2} \left( \sum_{i=1}^{N} \lambda_{i} y_{i} x_{i} \right)^{T} \left( \sum_{j=1}^{N} \lambda_{j} y_{j} x_{j} \right) - \sum_{i=1}^{N} \lambda_{i} \left( y_{i} \left( \left( \sum_{j=1}^{N} \lambda_{j} y_{j} x_{j} \right) \cdot x_{i} + b \right) - 1 \right)$$

reordenando:

$$=\sum_{i=1}^{N}\lambda_{i}-\frac{1}{2}\sum_{i,j}\lambda_{i}\lambda_{j}y_{i}y_{j}x_{i}\cdot x_{j}-b\sum_{i=1}^{N}\lambda_{i}y_{i}$$
 vale cero por (3)

$$L_D = \sum_{i=1}^{N} \lambda_i - \frac{1}{2} \sum_{i,j} \lambda_i \lambda_j y_i y_j \mathbf{x_i} \cdot \mathbf{x_j}.$$
 (6)

#### Lagrangiano Primal y Dual

- El Lagrangiano dual involucra sólo los multiplicadores de Lagrange y los datos de entrenamiento (depende de menos parámetros).
- Mientras que el Lagrangiano primal involucra los multiplicadores de Lagrange así como los parámetros del hiperplano separador (w,b).
- $\bullet~$  El problema de **minimización** original para el Lagrangiano primal  $L_p$  se convierte en un problema de **maximización** para el Lagrangiano dual  $L_d$  .
- Como este es un problema de optimización convexo las soluciones para ambos problemas de optimización son equivalentes (siempre y cuando nuestra solución satisfaga las condiciones KKT).

# Aprendiendo una SVM Lineal

- El problema de la optimización dual puede resolverse mediante técnicas numéricas de **programación cuadrática**.
- Existe un algoritmo muy eficiente para resolver ese problema llamado Sequential Minimal Optimization (SMO).
- Una vez encontrados los valores de  $\lambda_i$ , podemos utilizar las ecuaciones (2) y (5),  $\mathbf{w} = \sum_{i=1}^{N} \lambda_i y_i \mathbf{x}_i$ ,  $\lambda_i [y_i(\mathbf{w} \cdot \mathbf{x}_i + b) 1] = 0$ , para obtener soluciones válidas para w y b.
- El límite de decisión queda expresado de la siguiente forma, dependiendo solo de los vectores de soporte:

$$\left(\sum_{i=1}^{N} \lambda_i y_i \mathbf{x_i} \cdot \mathbf{x}\right) + b = 0. \quad (7)$$

El valor de b se obtiene resolviendo la ecuación (5) para los vectores de soporte.

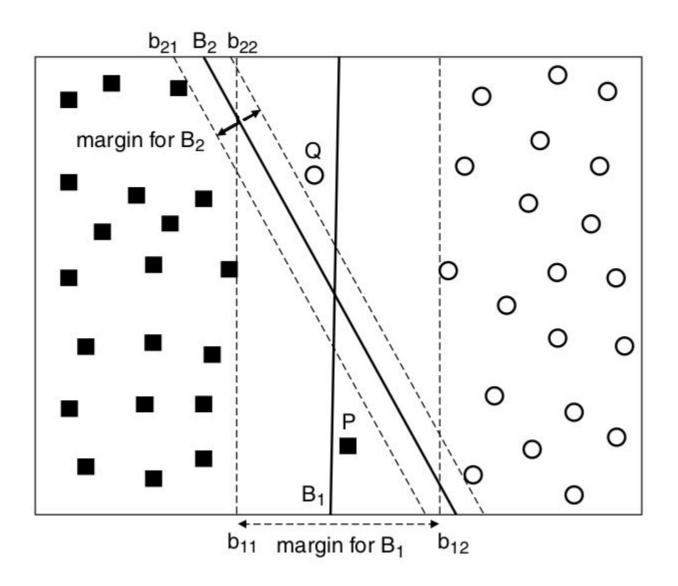
# Aprendiendo una SVM Lineal

- Debido a que los  $\lambda_i$  se calculan numéricamente, éstos pueden tener errores numéricos y el valor calculado para b puede no ser único.
- De hecho, depende del vector de soporte utilizado en la Ecuación (5).
- En la práctica, se elige el valor promedio de **b** para todos los vectores de soporte.
- Una vez que se encuentran los parámetros del límite de decisión, clasificamos un ejemplo de testing z de la siguiente manera:

$$f(\mathbf{z}) = sign(\mathbf{w} \cdot \mathbf{z} + b) = sign\left(\sum_{i=1}^{N} \lambda_i y_i \mathbf{x_i} \cdot \mathbf{z} + b\right).$$

- Si f (z) = 1, entonces el ejemplo se clasifica con la clase positiva; de lo contrario, se clasifica con la clase negativa.
- Para clasificar solo necesitamos iterar sobre los **vectores de soporte** (donde  $\lambda_i$  distinto de 0) que son muchos menos que los datos entrenamiento.

 La figura de más abajo muestra el dataset del ejemplo anterior con dos ejemplos nuevos (ruidosos): un círculo Q y un cuadrado P.



También muestra dos hiperplanos separadores posibles B<sub>1</sub> y B<sub>2</sub>.

- El límite de decisión B<sub>1</sub> clasifica erróneamente los dos nuevos ejemplos, mientras que B<sub>2</sub> los clasifica correctamente.
- Pero esto no significa que B<sub>2</sub> sea un mejor límite de decisión que B<sub>1</sub>.
- Los nuevos ejemplos pueden corresponder a ruido en los datos de entrenamiento.
- B<sub>1</sub> debería seguir siendo preferible a B<sub>2</sub> porque tiene un margen más amplio lo que lo hace menos susceptible a overfitting.
- La formulación de la SVM presentada en la anteriormente no contempla errores en los datos de entrenamiento.

- Ahora veremos cómo modificar el problema de optimización para aprender un límite de decisión que sea tolerable al ruido usando un método conocido como el margen suave (soft margin).
- Esto permitirá a la SVM construir una límite de decisión incluso en situaciones en las que las clases no sean linealmente separables.
- Para esto, el algoritmo de aprendizaje de SVM debe encontrar un balance entre el ancho del margen y el número de errores hechos por la SVM sobre los datos de entrenamiento.

 El límite de decisión de B<sub>1</sub> no satisface las restricciones del problema original

$$y_i(\mathbf{w} \cdot \mathbf{x_i} + b) \ge 1, \quad i = 1, 2, \dots, N.$$

- Debemos relajar las restricciones para poder suportar datos no linealmente separables.
- Esto se puede hacer introduciendo variables de holgura o slack variables (ξ) a las restricciones del problema:

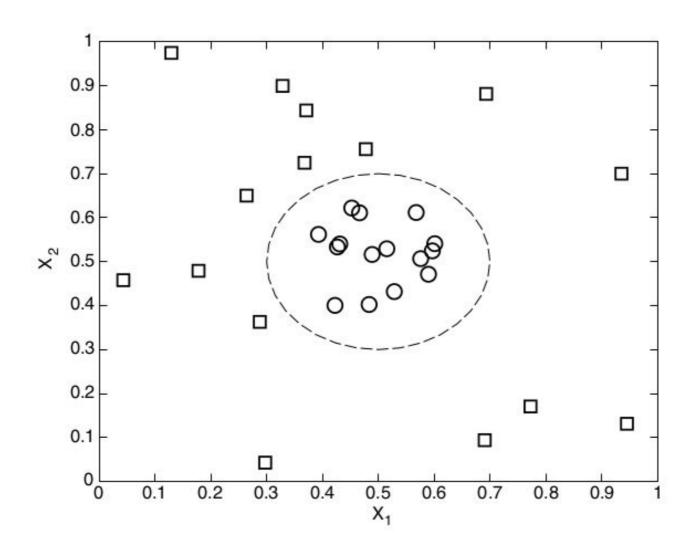
$$\mathbf{w} \cdot \mathbf{x_i} + b \ge 1 - \xi_i \text{ if } y_i = 1,$$
  
 $\mathbf{w} \cdot \mathbf{x_i} + b \le -1 + \xi_i \text{ if } y_i = -1,$ 

where  $\forall i: \xi_i > 0$ .

 El problema de optimización primal quedaría formulado como minimizar la siguiente función objetivo:

$$\frac{1}{2}||w||^2 + C\sum_{i=1}^m \xi_i$$
s.t.  $y^{(i)}(w^T x^{(i)} + b) \ge 1 - \xi_i, \quad i = 1, \dots, m$   
 $\xi_i \ge 0, \quad i = 1, \dots, m.$ 

- Donde  $\xi_i$  representa la magnitud del error para para el ejemplo i y  ${\bf C}$  es un costo que pagamos por equivocarnos.
- El valor del parámetro C se debe calibrar sobre un conjunto de datos independientes llamado de validación o haciendo cross-validation.
- Una vez formulado el problema procedemos de manera análoga: planteamos el nuevo Lagrangiano, el dual y verificamos que las soluciones respeten las condiciones KKT.



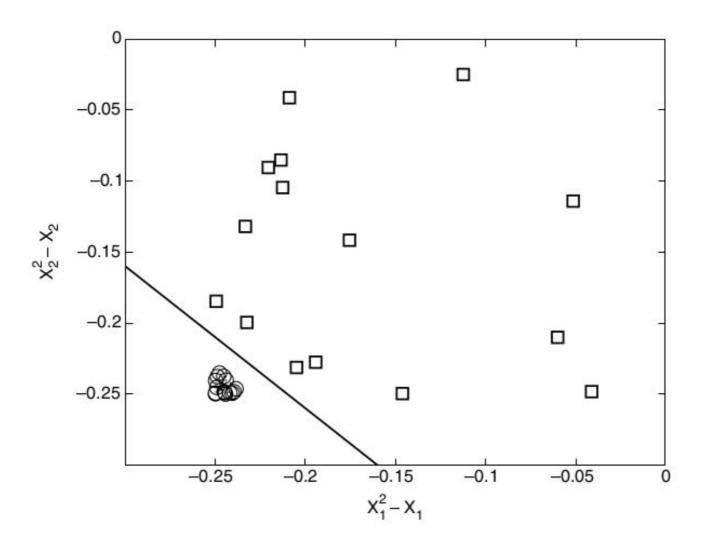
- El diagrama muestra un ejemplo de un dataset bidimensional compuesto por cuadrados (y = 1) y círculos (y = -1).
- Todos los círculos están agrupados cerca del centro del diagrama y todos los cuadrados se distribuyen más lejos del centro.
- Este problema no se puede resolver con una SVM lineal.

- Podríamos aplicar una transformación no lineal Φ para mapear los datos de su espacio de original a un nuevo espacio (de más dimensiones) donde el límite de decisión se vuelva lineal.
- Supongamos que elegimos la siguiente transformación que transforma de 2 dimensiones a 5 dimensiones:

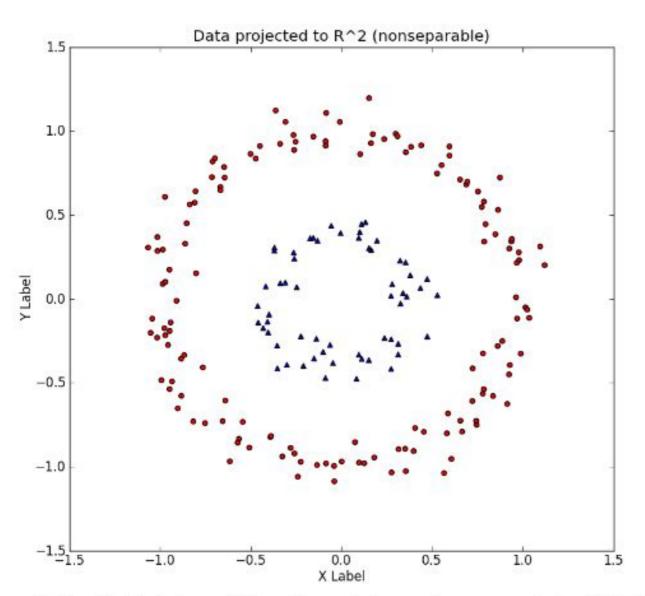
$$\Phi: (x_1, x_2) \longrightarrow (x_1^2, x_2^2, \sqrt{2}x_1, \sqrt{2}x_2, 1).$$

• En este espacio transformado si es posible encontrar parámetros  $\mathbf{w} = (w_0, w_1, ..., w_4)$  que separen linealmente los datos:

$$w_4x_1^2 + w_3x_2^2 + w_2\sqrt{2}x_1 + w_1\sqrt{2}x_2 + w_0 = 0.$$



- La figura muestra que en el espacio transformado se puede construir un límite de decisión lineal para separar las clases.
- Un problema potencial de este enfoque es que puede sufrir de la la maldición la dimensionalidad: para datos de alta dimensión muchas técnicas de data mining no escalan o no funcionan bien.
- Mostraremos cómo una SVM no lineal evita este problema usando un truco llamado Kernel Trick.



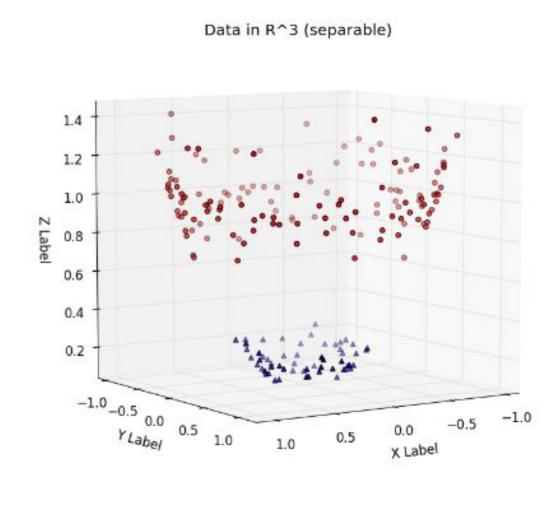


Figure 5: (Left) A dataset in  $\mathbb{R}^2$ , not linearly separable. (Right) The same dataset transformed by the transformation:  $[x_1, x_2] = [x_1, x_2, x_1^2 + x_2^2]$ .

#### source:

http://www.eric-kim.net/eric-kim-net/posts/1/kernel\_trick.html

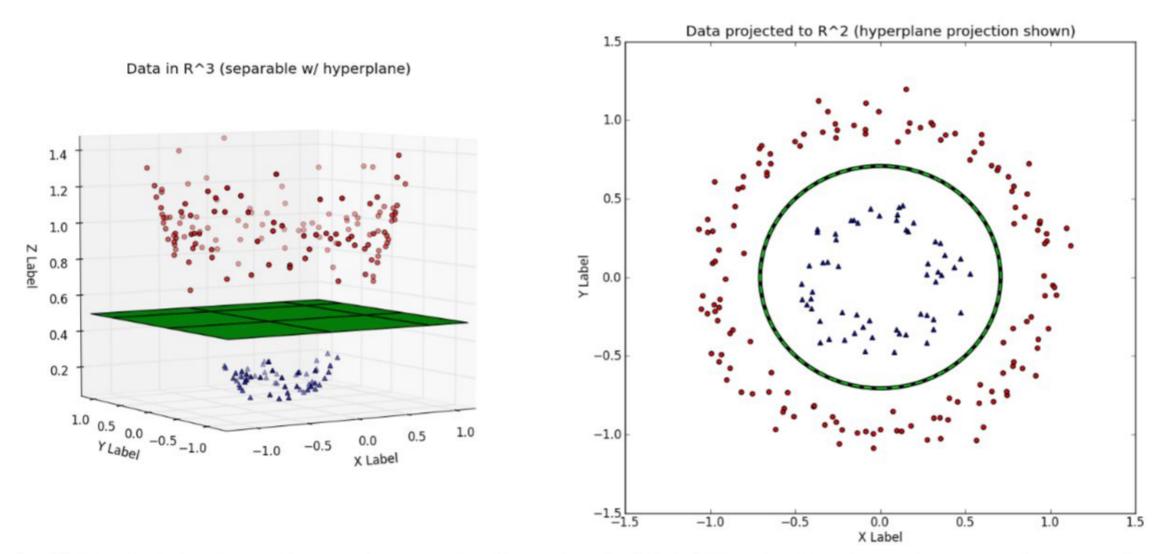


Figure 6: (Left) The decision boundary  $\vec{w}$  shown to be linear in  $\mathbb{R}^3$ . (Right) The decision boundary  $\vec{w}$ , when transformed back to  $\mathbb{R}^2$ , is nonlinear.

#### source:

http://www.eric-kim.net/eric-kim-net/posts/1/kernel\_trick.html

 Usando la idea de tener una función Φ(x) que mapea los datos a una dimensión mayor, podemos redefinir el problema de optimización.

$$\min_{\mathbf{w}} \frac{\|\mathbf{w}\|^2}{2}$$
 subject to 
$$y_i(\mathbf{w} \cdot \Phi(\mathbf{x}_i) + b) \ge 1, \quad i = 1, 2, \dots, N.$$

- Lo único que hacemos es reemplazar todas las instancia del vector  $\mathbf{x}$  por  $\mathbf{\Phi}(\mathbf{x})$ .
- Podemos formular nuevamente el dual y las expresiones que nos permiten encontrar los valores óptimos de w y b.

$$L_D = \sum_{i=1}^n \lambda_i - \frac{1}{2} \sum_{i,j} \lambda_i \lambda_j y_i y_j \Phi(\mathbf{x}_i) \cdot \Phi(\mathbf{x}_j) \qquad \mathbf{w} = \sum_i \lambda_i y_i \Phi(\mathbf{x}_i)$$

$$\lambda_i \{ y_i (\sum_j \lambda_j y_j \Phi(\mathbf{x}_j) \cdot \Phi(\mathbf{x}_i) + b) - 1 \} = 0,$$

 Análogamente, una instancia de prueba z puede clasificarse utilizando la siguiente ecuación:

$$f(\mathbf{z}) = sign(\mathbf{w} \cdot \Phi(\mathbf{z}) + b) = sign\left(\sum_{i=1}^{n} \lambda_i y_i \Phi(\mathbf{x}_i) \cdot \Phi(\mathbf{z}) + b\right).$$

- Si nos fijamos en las ecuaciones veremos que tanto para la formulación del dual como para clasificar un ejemplo Φ(x) siempre está acompañada por la función Φ aplicada a otro vector por medio de un producto punto (ej: Φ(x) · Φ(z)).
- El producto punto de dos vectores tiene relación con su similitud (piensen en el coseno del ángulo). Entonces  $\Phi(x) \cdot \Phi(z)$  representa la similitud entre x y z en el espacio transformado.
- Si las transformaciones  $\Phi(x)$  son de alta dimensión, entonces calcular  $\Phi(x) \cdot \Phi(z)$  será computacionalmente caro.
- El truco del Kernel trick consiste en que para algunas funciones  $\Phi$  es posible calcular el resultado de  $\Phi(x) \cdot \Phi(z)$  directamente en el espacio original sin necesidad de calcular  $\Phi(x)$  o  $\Phi(z)$  por separado.

- Usemos la siguiente función  $\Phi: (x_1, x_2) \to (x_1^2, x_2^2, \sqrt{2}x_1, \sqrt{2}x_2, \sqrt{2}x_1x_2, 1)$ .
- Sean dos vectores u, v, calculemos Φ(u)·Φ(v):

$$\Phi(u) \cdot \Phi(u) = (u_1^2, u_2^2, \sqrt{2}u_1, \sqrt{2}u_2, \sqrt{2}u_1u_2, 1) \cdot (v_1^2, v_2^2, \sqrt{2}v_1, \sqrt{2}v_2, \sqrt{2}v_1v_2, 1)$$

$$= u_1^2 v_1^2 + u_2^2 v_2^2 + 2u_1 v_1 + 2u_2 v_2 + 2u_1 u_2 v_1 v_2 + 1$$

$$= (u \cdot v + 1)^2.$$

 El producto punto en el espacio transformado se puede expresar como una función de similitud en el espacio original:

$$K(\mathbf{u}, \mathbf{v}) = \Phi(\mathbf{u}) \cdot \Phi(\mathbf{v}) = (\mathbf{u} \cdot \mathbf{v} + 1)^2.$$

- La función de similitud, K, que se calcula en el espacio de atributos original, se conoce como la función de kernel.
- El kernel trick consiste en reemplazar  $\Phi(x) \cdot \Phi(z)$  por K(x,z) en las ecuaciones de la SVM y así trabajar en el espacio transformado de manera implícita.

- Si usamos la función de Kernel polinomial:  $K(\mathbf{u}, \mathbf{v}) = \Phi(\mathbf{u}) \cdot \Phi(\mathbf{v}) = (\mathbf{u} \cdot \mathbf{v} + 1)^2$ .
- Una SVM clasificaría un ejemplo nuevo z de la siguiente forma:

$$f(\mathbf{z}) = sign(\sum_{i=1}^{n} \lambda_i y_i \Phi(\mathbf{x}_i) \cdot \Phi(\mathbf{z}) + b)$$

$$= sign(\sum_{i=1}^{n} \lambda_i y_i K(\mathbf{x}_i, \mathbf{z}) + b)$$

$$= sign(\sum_{i=1}^{n} \lambda_i y_i (\mathbf{x}_i \cdot \mathbf{z} + 1)^2 + b),$$

Existen varias funciones de Kernel que se pueden usar:

Polinomial: 
$$K(\mathbf{x}, \mathbf{y}) = (\mathbf{x} \cdot \mathbf{y} + 1)^p$$

Radial o Gaussiano: 
$$K(\mathbf{x}, \mathbf{y}) = e^{-\|\mathbf{x} - \mathbf{y}\|^2/(2\sigma^2)}$$

Sigmoidal: 
$$K(\mathbf{x}, \mathbf{y}) = \tanh(k\mathbf{x} \cdot \mathbf{y} - \delta)$$

- Los parámetros de la función de Kernel (ej: el valor de σ para un Kernel radial) deben ajustarse experimentalmente en un dataset de validación o haciendo cross-validation.
- En la práctica uno hace una búsqueda de grilla para combinaciones de valores de hiperparametros (ej: el valor C del margen suave y el valor de σ del Kernel radial).
- Un ejemplo de búsqueda típico es

$$C \in \{2^{-5}, 2^{-3}, \dots, 2^{13}, 2^{15}\}$$
  $\sigma \in \{2^{-15}, 2^{-13}, \dots, 2^{1}, 2^{3}\}$ 

- Uno no puede usar cualquier función como función de Kernel, el teorema de Mercer muestra matemáticamente que la función K debe ser positiva semi-definida.
- Esto implica que la función es representable como el producto punto de dos vectores en el espacio transformado:  $\Phi(x) \cdot \Phi(z)$  por K(x,z).
- En la práctica nos limitamos a usar las funciones de Kernel conocidas que sabemos que cumplen con la condición.

- El espacio transformado de una función de Kernel en una SVM se llama reproducing kernel Hilbert space (RKHS).
- El cálculo de los productos de puntos usando las funciones del Kernel es considerablemente más barato que operar sobre el espacio transformado Φ(x).
- Como los cálculos se realizan en el espacio original, se evitan los problemas asociados con la maldición de la dimensionalidad.

#### Conclusiones

- El problema de aprendizaje de una SVM se formula como un problema de optimización convexa en donde hay algoritmos eficientes para encontrar el óptimo global.
- Otros métodos de clasificación como como los árboles de decisión y las redes neuronales tienden a encontrar óptimos locales.
- La SVM optimiza explícitamente la capacidad de generalización al maximizar el margen del límite de decisión.
- En una SVM el usuario debe **ajustar** hiper-parámetros, como el tipo de función de Kernel y el costo C para las variables de holgura (esto puede ser caro).
- La SVM puede aplicarse a los datos categóricos creando variables dummy binarias por cada categoría.
- La formulación de SVM presentada en esta clase se limita a problemas de clasificación binaria.

#### Conclusiones

- Existen adaptaciones para trabajar con múltiples clases.
- Lo más simple es entrenar un clasificador por cada clase donde los ejemplos negativos se obtienen combinando todos los ejemplos que no sean de la clase correspondiente. Luego se clasifica a la clase que se prediga con mayor margen (confianza).
- Esto se llama One-vs-all.
- Las SVMs fueron unos de los métodos de Machine Learning más populares en los 90's y principios de los años 2000.
- La gran limitación de las SVMs es que no escalan bien para datasets masivos.
- Hoy en d\u00eda el uso de redes neuronales profundas les ha quitado su popularidad.
- Sin embargo, entender cómo funcionan las SVMs sigue siendo muy valioso.



www.dcc.uchile.cl

